

O B S A H

| | |
|--|----|
| 1. STRUKTURA NUKLEOVÝCH KYSELIN | 1 |
| 1.1. Základní složky nukleových kyselin | 1 |
| 1.2. Primární struktura nukleových kyselin | 7 |
| 1.2.1. Řetězec nukleové kyseliny lze štěpit neenzymovou nebo enzymovou hydrolyzou | 8 |
| 1.2.2. Metody sekvencování | 9 |
| 1.3. Sekundární a vyšší struktura nukleových kyselin | 12 |
| 1.3.1. Sekundární struktura DNA | 12 |
| 1.3.2. Denaturace a reasociace řetězců nukleových kyselin, molekulární hybridizace | 15 |
| 1.3.3. Sekundární struktura RNA | 18 |
| 1.3.4. Topologie DNA | 18 |
| 1.4. Interakce DNA s proteiny, struktura ochromosomu | 21 |
| 1.4.1. Bakteriální chromosom | 21 |
| 1.4.2. Eukaryotické chromosomy | 22 |
| 1.4.3. DNA mitochondrií | 24 |
| 2. BIOSYNTÉZA NUKLEOVÝCH KYSELIN | 25 |
| 2.1. Replikace DNA | 25 |
| 2.1.1. Biosyntéza DNA v baktériích | 25 |
| 2.1.2. Iniciace replikace DNA v baktériích | 30 |
| 2.1.3. Terminace replikace u baktérií | 30 |
| 2.1.4. Multiplicita DNA-polymeras a reparace poškozené DNA u baktérií | 31 |
| 2.1.5. Replikace chromosomové DNA v eukaryotech | 32 |
| 2.1.6. Osud histonů při replikaci DNA | 34 |
| 2.2. Transkripce | 35 |
| 2.2.1. Transkripce v baktériích (E. coli) | 36 |

| | | |
|------------|---|----|
| 2.2.1.1. | Zahájení (iniciace) bakteriální transkripce | 37 |
| 2.2.1.2. | Elongace syntezovaného řetězce RNA | 37 |
| 2.2.1.3. | Ukončení, terminace transkripce u baktérií | 38 |
| 2.2.1.4. | Inhibitory bakteriální transkripce | 39 |
| 2.2.1.5. | Posttranskripční úpravy (zrání, processing) bakteriálních RNA | 39 |
| 2.2.2. | Transkripce v živočišných buňkách | 42 |
| 2.2.2.1. | Iniciace eukaryotické transkripce | 43 |
| 2.2.2.2. | Inhibitory eukaryotické transkripce | 45 |
| 2.2.2.3. | Posttranskripční úpravy (processing, zrání) eukaryotických RNA | 45 |
| 2.2.2.3.1. | Úpravy rRNA | 45 |
| 2.2.2.3.2. | Úpravy tRNA | 46 |
| 2.2.2.3.3. | Úpravy mRNA | 47 |
| 3. | BIOSYNTÉZA POLYPEPTIDOVÉHO ŘETĚZCE – TRANSLACE ... | 52 |
| 3.1. | Transferové RNA (tRNA) | 52 |
| 3.2. | Aktivace aminokyseliny, proteinová syntéza aminoacyl-tRNA | 54 |
| 3.3. | Funkce ribosomů v procesech v translaci | 55 |
| 3.3.1. | Translace u prokaryotů | 55 |
| 3.3.1.1. | Struktura ribosomů | 55 |
| 3.3.1.2. | Iniciace translace | 56 |
| 3.3.1.3. | Elongace peptidu | 57 |
| 3.3.1.4. | Terminace translace | 59 |
| 3.3.1.5. | Inhibitory bakteriální translace | 60 |
| 3.3.2. | Translace u eukaryotů | 61 |
| 3.3.2.1. | Struktura ribosomů | 61 |
| 3.3.2.2. | Iniciace eukaryotické translace | 62 |
| 3.3.2.3. | Elongace eukaryotické translace | 63 |
| 3.3.2.4. | Terminace eukaryotické translace | 63 |
| 3.3.2.5. | Inhibitory eukaryotické translace | 63 |
| 4. | GENETICKÝ KÓD | 64 |

| | |
|---|-----------|
| 5. BIOSYNTÉZA NUKLEOVÝCH KYSELIN a PROTEOSYNTÉZA | 65 |
| v MITOCHONDRIÍCH | 67 |
| 5.1. Replikace mitochondriální | 67 |
| DNA | 67 |
| 5.2. Mitochondriální | 67 |
| transkripce | 67 |
| 5.3. Mitochondriální translace | 68 |
| doplňkové kapitoly | |
| 6. ŘÍZENÍ GENOVÉ EXPRESE A SYNTÉZY PROTEINU | 69 |
| 6.1. Řízení genové exprese | 69 |
| a proteosyntézy u prokaryot | 69 |
| 6.1.1. Regulace na úrovni transkripce | 69 |
| 6.1.1.1. Regulace σ-faktory | 69 |
| 6.1.1.2. Jacobův-Monodův operonový model | 70 |
| 6.1.1.3. Regulační význam cAMP u baktérií | 73 |
| 6.1.1.4. Variace operonového řízení genů | 73 |
| Tryptofanový a arabinosový operon | 80 |
| 6.1.1.5. Řízení terminace transkripce | 80 |
| 6.1.2. Regulace bakteriální proteosyntézy na úrovni | |
| translaci | 80 |
| 6.2. Řízení genové exprese a | |
| proteosyntézy u eukaryot | 81 |
| 6.2.1. Regulace na úrovni uspořádání genů | 83 |
| 6.2.2. Regulace na úrovni transkripce | 83 |
| 6.2.3. Regulace postranskripčních úprav pre-mRNA | 86 |
| 6.2.4. Regulace na úrovni translaci | 86 |
| 6.2.5. Řízení rychlosti degradace mRNA | 87 |
| 6.2.6. Regulace funkce proteinu kotranslačními a | |
| postranslačními úpravami | 87 |
| 7. CÍLENÁ DISTRIBUCE (TARGETING) NOVĚ SYNTEZOVANÝCH | |
| PROTEINU A JEJICH POSTTRANSLAČNÍ ÚPRAVY | 90 |
| 7.1. Signální sekvence poly- | |
| peptidu, volné a vázané | |
| ribosomy | 90 |
| 7.2. Postranslační glykosylace | |
| proteinů | 92 |

| | |
|---|------------|
| 7.3. Targeting nezávislý na glykosylaci proteinů | 95 |
| 7.4. Targeting mitochondriálních proteinů | 95 |
| 7.5. Targeting jaderných proteinů | 97 |
| 7.6. Rozhodovací mechanismus k destrukci nefunkčních proteinů | 97 |
| 7.7. Receptorem zprostředkována endocytosa | 98 |
| 8. ÚVOD DO BIOCHEMIE VIRŮ | 100 |
| 8.1. Reprodukce DNA-virů | 101 |
| 8.2. Reprodukce RNA-virů | 103 |
| 8.3. Interferony | 116 |
| 9. BIOCHEMIE GENOVÉHO INŽENÝRSTVÍ | 117 |
| 9.1. Štěpení DNA na definovaném místě řetězce | 118 |
| 9.2. Učinné dělení fragmentů DNA elektroforézou | 119 |
| 9.3. Identifikace restrickčních fragmentů | 120 |
| 9.4. Syntéza umělé DNA | 120 |
| 9.5. Pomnožení a exprese izolovaného nebo umělého genu v hostitelské buňce | 122 |
| 9.5.1. Syntéza vektoru | 122 |
| 9.5.2. Selekce hostitelské buňky s přijatým novým genem | 123 |
| 9.5.3. Klonování genu | 124 |
| 9.5.4. Vytvoření podmínek pro expresi umělého nebo přeupraveného genu v hostitelské buňce | 125 |