

OBSAH

1. PLYNULÁ VARIABILITY	11
1.1. Úvod	11
1.2. Kvantitativní proměnlivost	12
1.3. Projev jedince - šlechtitelská hodnota	18
1.4. Fenotypový rozptyl a jeho složky	37
1.5. Environmentální rozptyl	41
1.5.1. Mnohonásobné měření.	42
2. KOVARIANCE A PŘÍBUZNOST	45
2.1. Genetická kovariance	48
2.1.1. Potomci a jeden rodič	48
2.1.2. Polosourozenci	48
2.1.3. Potomek a průměr rodičů	49
2.1.4. Úplní sourozenci	49
2.1.5. Kovariance způsobená epistází	51
2.1.6. Účinek vazby	51
2.2. Environmentální kovariance	51
3. PŘÍBUZNOST A INBREEDING	53
3.1. Úvod	53
3.2. Koeficient příbuznosti, inbrední koeficient	53
3.3. Příbuznost	54
3.3.1. Přímá příbuznost	55
3.3.2. Souběžná příbuznost	57
3.3.3. Výpočet příbuznosti a inbredního koeficientu	58
3.3.3.1. Příbuznost	58
3.3.3.2. Inbreeding	60
3.3.3.3. Praktické příklady	61
3.4. Základní populace	66
3.5. Inbreeding v populacích	67
3.6. Tvorba inbredních linií	68
3.7. Inbrední deprese	71
3.7.1. Ohrožené druhy	72

3.8. Souhrn	74
4. HERITABILITY	75
4.1. Odhadý heritability	78
4.1.1. Selekce rodičů a výběrové párení	80
4.1.2. Vztah potomek-rodič	80
4.1.3. Analýza sourozenců	81
4.1.4. Regrese potomků na matku uvnitř otce	84
4.2. Přesnost odhadů heritability	85
4.2.1. Regrese potomků na rodiče	85
4.2.2. Analýza sourozenců	88
4.2.3. Identická dvojčata	90
5. SELEKCE	93
5.1. SELEKCE MEZI POPULACEMI	93
5.1.1. Úvod	93
5.1.2. Srovnání mezi populacemi	93
5.1.3. Uspořádání srovnání	94
5.1.4. Interakce genotyp-prostředí	96
5.1.5. Příklady srovnání	96
5.1.5.1. Programy k hodnocení zárodečné plasmy	96
5.1.5.2. Testy náhodných vzorků	97
5.2. SELEKCE UVNITŘ POPULACÍ	98
Selekce stabilizující	98
Selekce disruptivní	98
Selekce přímá (direkcionální)	98
5.2.1. Variabilita šlechtitelských hodnot	101
5.2.2. Generační interval	102
5.2.3. Intenzita selekce	103
5.2.4. Efektivní velikost populace	106
5.2.4.1. Inbreeding	106
5.2.4.2. Náhoda a štěstí: genetický drift (posun)	111
Snížení reakce	111
Variabilita reakce	112

<u>5.2.5. Přesnost selekce</u>	114
<u>5.2.5.1. Odhady šlechtitelské hodnoty</u>	115
Jedno měření na kandidáta	116
Jedno měření na příbuzných kandidáta	117
Průměrný projev předků	119
Průměrný projev sourozenců	122
Průměrný projev potomků	126
Průměr několika měření kandidátova projevu	128
Vliv společného prostředí	129
Průměr opakovaných měření	130
Kombinované odhady z více než jednoho zdroje	131
<u>5.2.6. Selekční diferenciál</u>	133
<u>5.2.7. Metody selekce</u>	135
<u>5.2.7.1. Selekce rodin</u>	136
<u>5.2.7.2. Selekce uvnitř rodin</u>	137
<u>5.2.8. BLUP</u>	139
<u>5.2.8.1. Obecný princip metody</u>	139
<u>5.2.8.2. Obecný postup metody</u>	140
<u>5.2.8.3. Rozšíření modelu</u>	148
 <u>6. ODHADY GENETICKÝCH PARAMETRŮ Z VÝBĚRŮ</u>	150
<u>6.1. Matematické metody k odhadu složek fenotypového rozptylu</u>	150
<u>6.1.1. Analýza rozptylu (Model II)</u>	151
<u>6.1.1.1. Model II - jednoduché třídění</u>	152
<u>6.1.1.2. Model II - dvojné třídění</u>	159
<u>6.1.1.3. Hierarchické třídění</u>	165
<u>6.2. Odhad složek fenotypového rozptylu</u>	169

7. GENETIKA KVANTITATIVNÍCH ZNAKŮ VE ŠLECHTĚNÍ ROSTLIN	173
7.1. Úvodní poznámky	173
7.2. Autogamní rostliny	173
Individuální výběr	174
Hromadný výběr	174
Metoda rodokmenová (pedigree)	175
Metoda populační ("ramš")	175
Metoda zpětného křížení	176
7.2.1. Selekce u autogamních rostlin	176
7.2.2. Genetický základ čistých linii	177
7.3. Heteróze	179
7.3.1. Základní model	179
7.3.1.1. Složky průměrů	179
7.3.1.2. Složky heteróze	183
7.3.1.3. Analýza příčin heteróze	184
8. GENETIKA KVANTITATIVNÍCH ZNAKŮ U ČLOVĚKA	188
8.1. Polygenní dědičnost	188
8.1.1. Genetická heterogenita	189
8.1.2. Fenokopie	191
8.1.3. Měřitelné a kvantitativní fenotypy	191
8.2. Diskontinuita při polygenní dědičnosti	194
8.2.1. Prahové znaky	194
Literatura	201